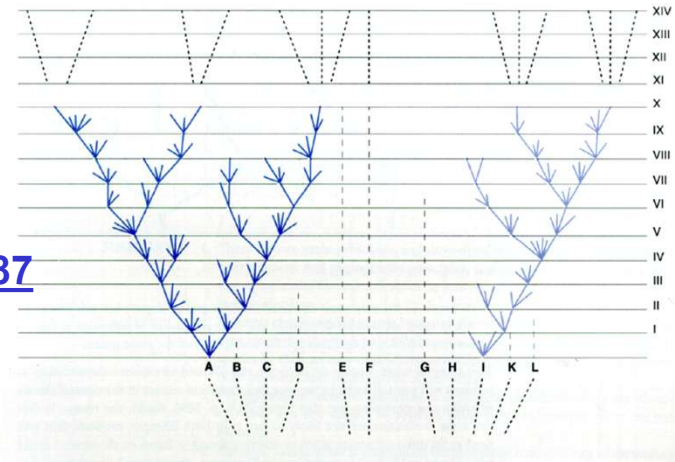


Curso de Evolución 2025
Facultad de Ciencias
Montevideo, Uruguay

<https://eva.fcien.udelar.edu.uy/course/view.php?id=1687>

<https://www.youtube.com/c/CursoEvoluci%C3%B3n>

Figure 14.11 The divergent pattern of evolution. From Darwin's *Origin*.



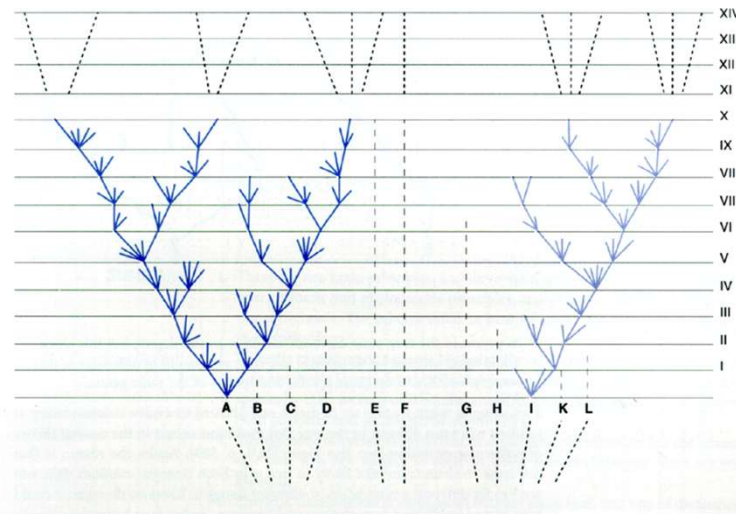
Tema 2. Las filogenias como contexto de análisis de la evolución. Aplicaciones del análisis filogenético.

Darwin: la evolución es “descendencia con modificación”

- ancestro común a todos los seres vivos
- diversificación de linajes derivados de aquel

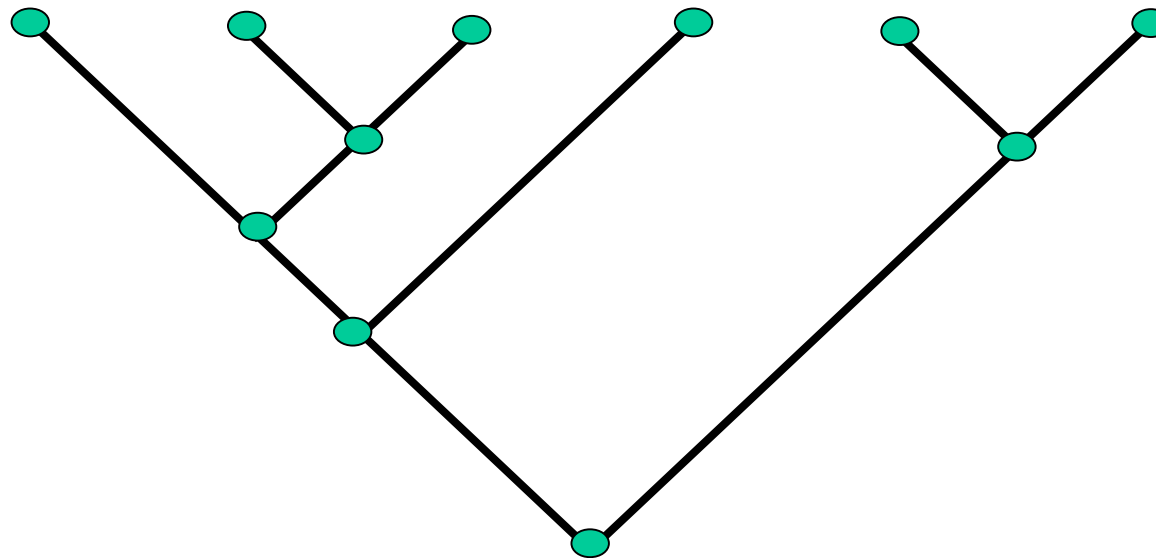
Darwin: “Así se producen dos o más géneros, mediante *herencia con modificación*, a partir de dos o más especies del mismo género. Y las dos o más especies progenitoras descienden de alguna especie de un género anterior. En nuestro esquema ello se ilustra mediante las líneas de trazos situadas bajo las letras mayúsculas que convergen hacia un único punto, situado debajo”.

Figure 14.11 The divergent pattern of evolution. From Darwin's *Origin*.



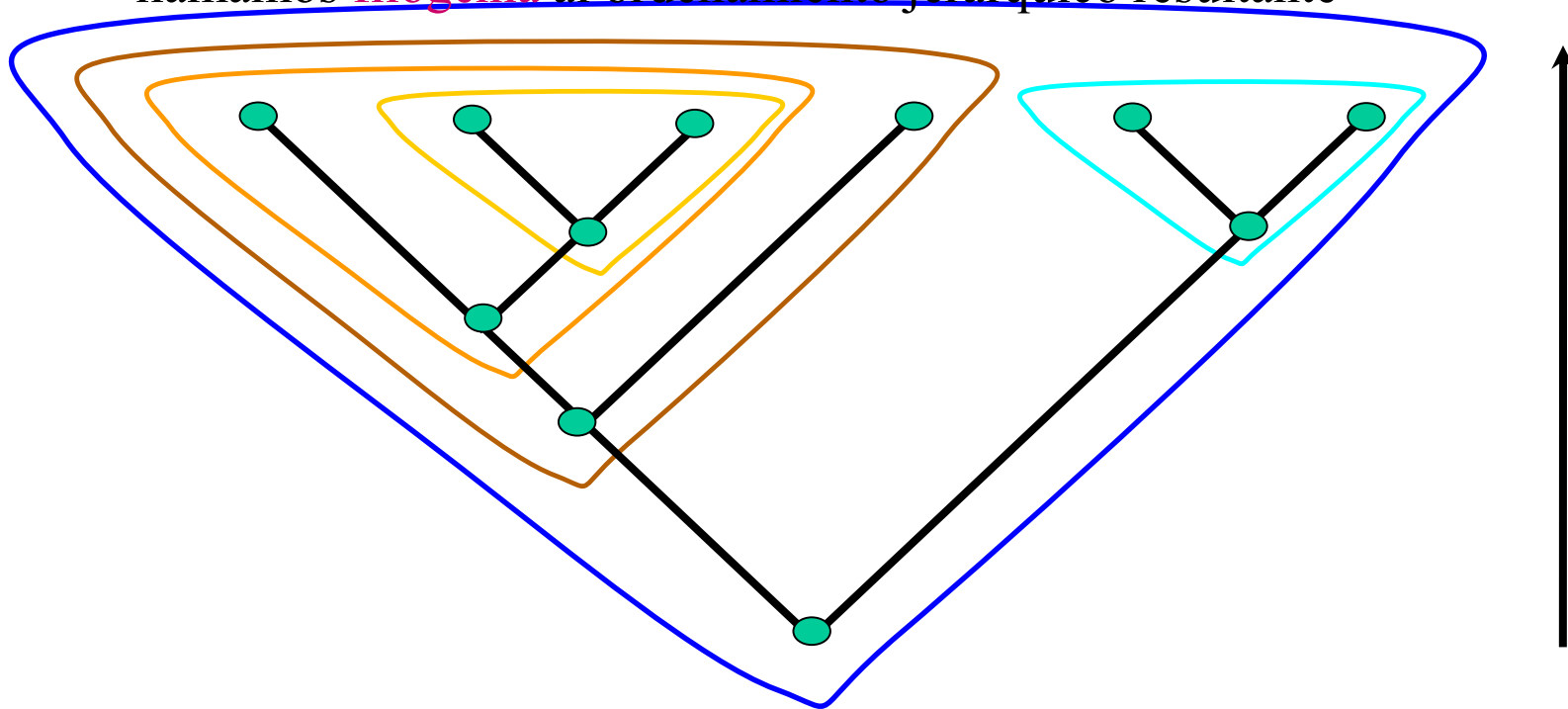
Darwin: la evolución es “descendencia con modificación”

- ancestro común a todos los seres vivos
- diversificación de linajes derivados de aquel



Darwin: la evolución es “descendencia con modificación”

- llamamos **filogenia** al ordenamiento jerárquico resultante



FILOGENIA: historia evolutiva de un grupo determinado. Es un ordenamiento de relaciones anidadas y jerárquicas.

Estas relaciones evolutivas son ilustradas mediante un **ARBOL**

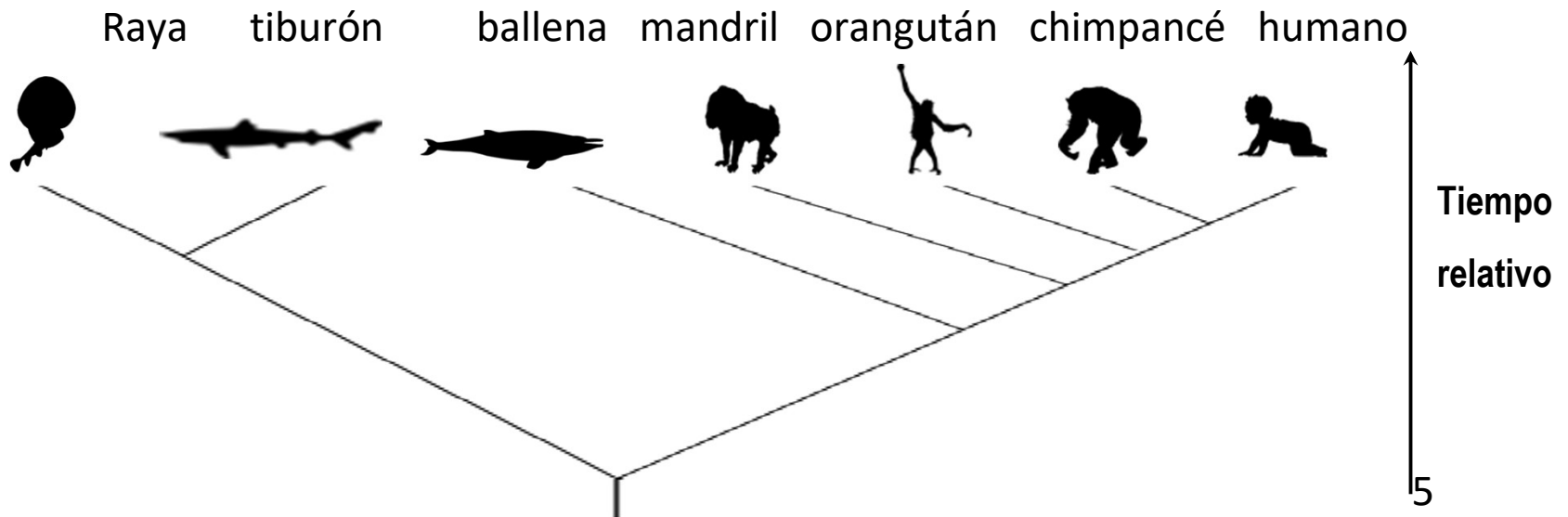
FILOGENETICO: representación gráfica de dicha historia.

Patrón de ramificación:

TAXA u OTUs

TOPOLOGIA

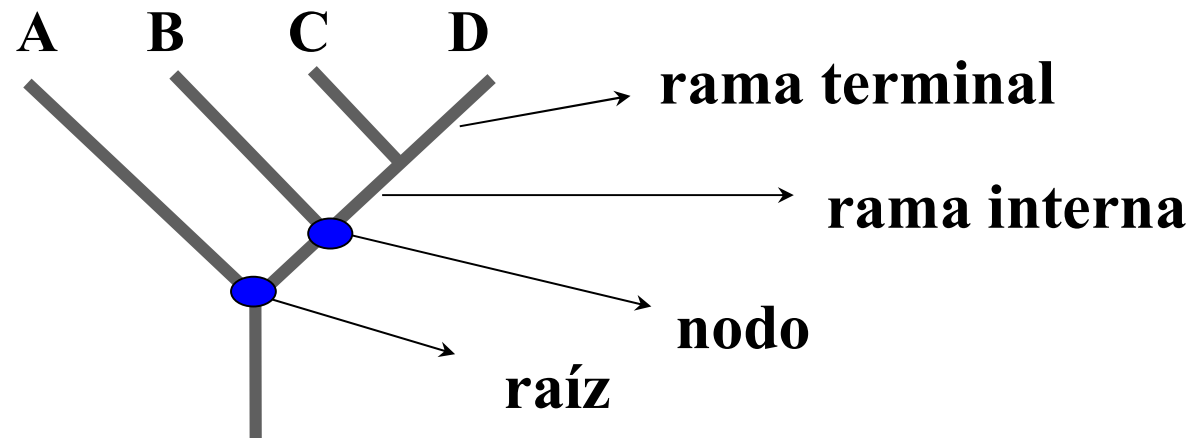
(Unidades Taxonómicas Operativas)



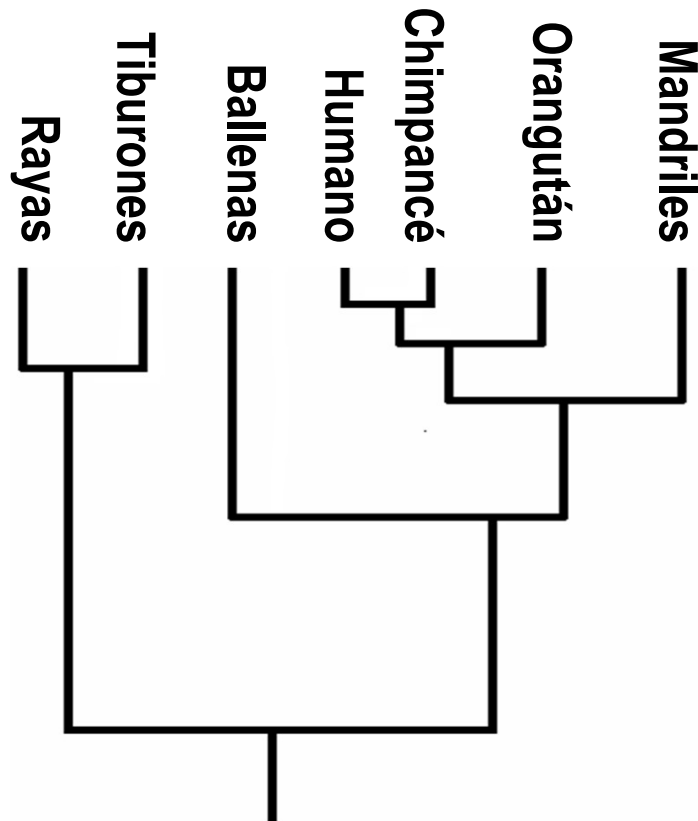
En estudios filogenéticos, las relaciones evolutivas entre varias especies es ilustrada por medio de un **árbol filogenético**, que es una representación gráfica compuesta por **nodos** conectados por **ramas**.

Este patrón de ramificación es llamado **topología**.

OTU's (unidades taxonómicas operativas) / taxa

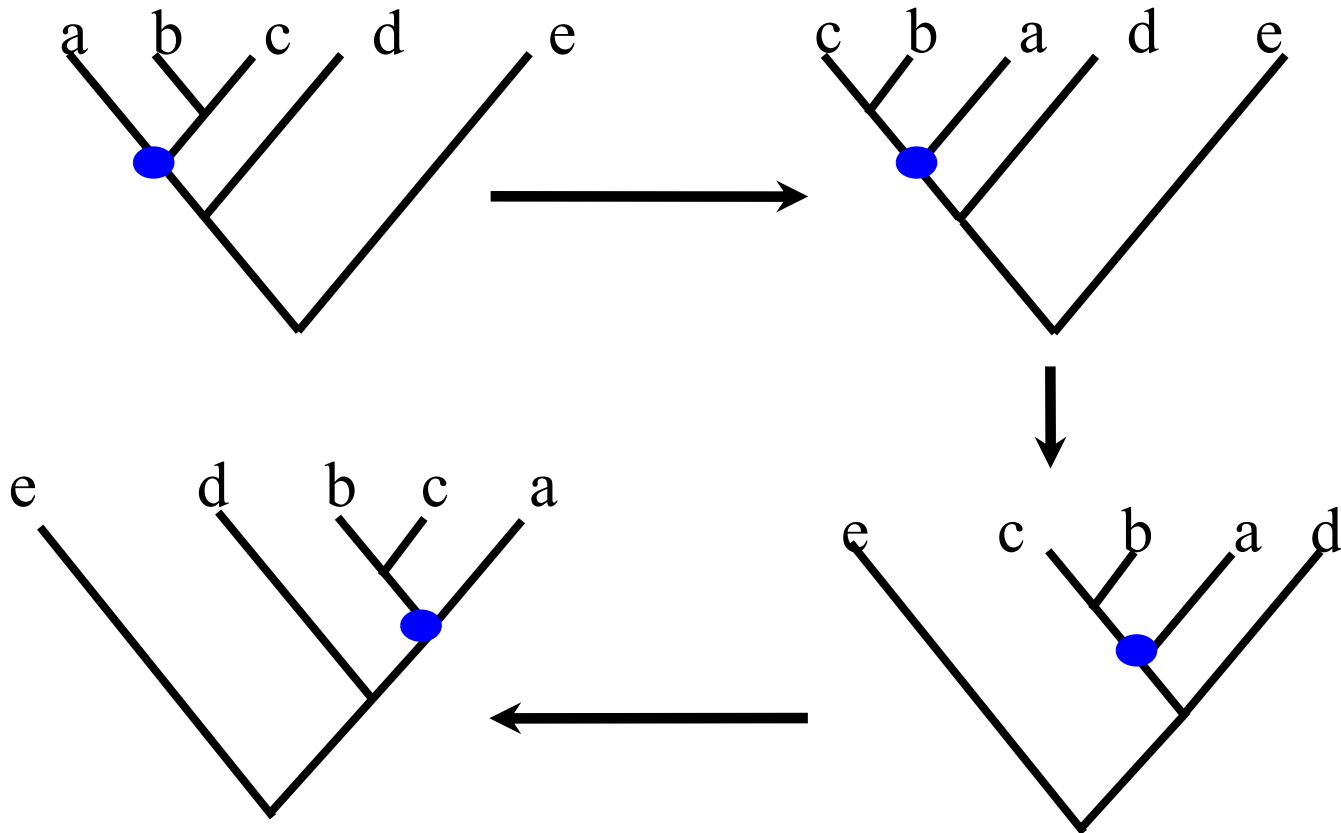


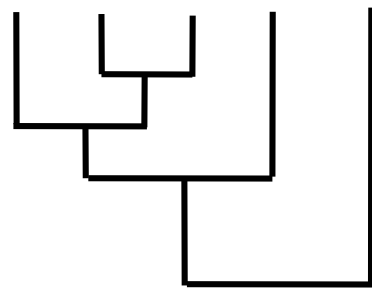
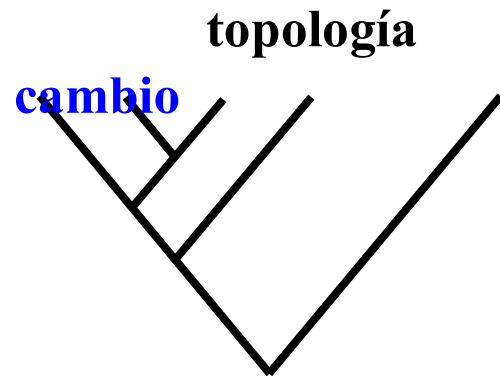
Algunos errores comunes de interpretación



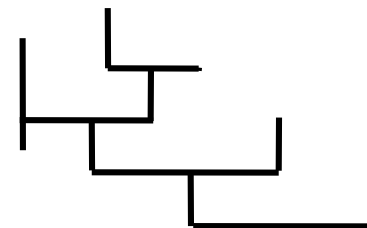
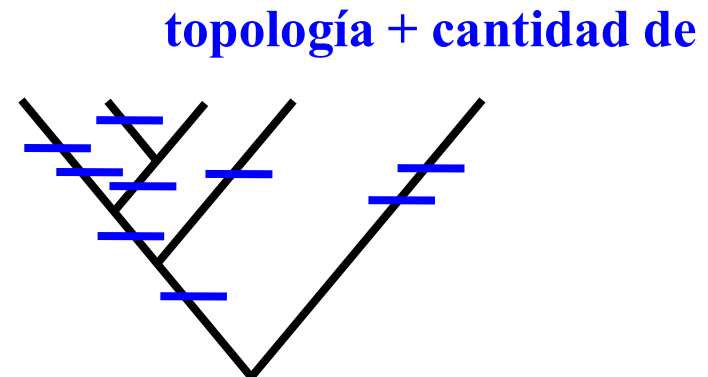
- los mandriles están antes que los chimpancés
- los mandriles son más primitivos que el orangután
- los mandriles se parecen más al ancestro común de los primates que el resto del grupo
- las ballenas están más cerca de otros vertebrados no mamíferos que el resto de los mamíferos

LA TOPOLOGIA ES LA MISMA



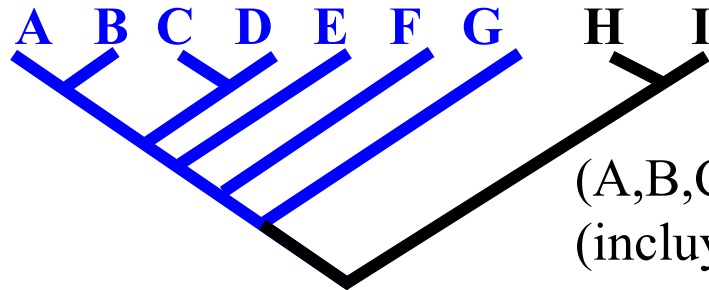


Cladograma

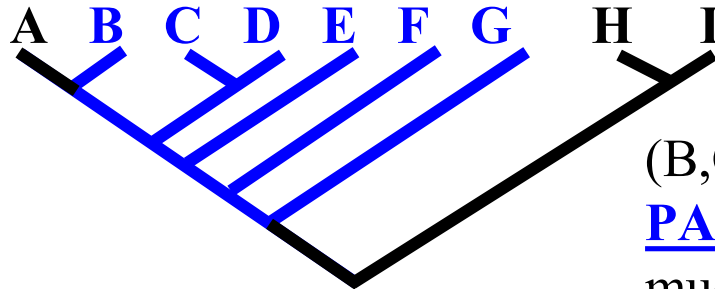


Filograma

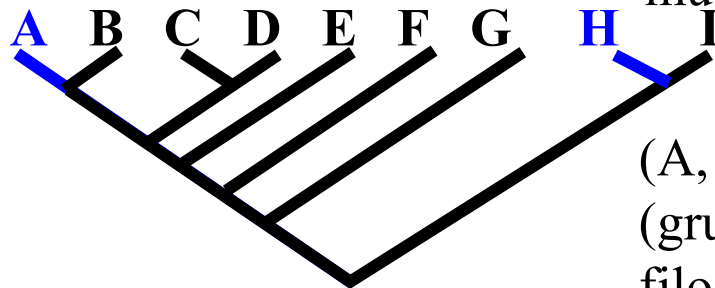
Dentro del grupo considerado (A,B,C,D,E,F,G,H,I):



(A,B,C,D,E,F,G) es un grupo **MONOFILÉTICO**
(incluye un ancestro y todos sus descendientes)



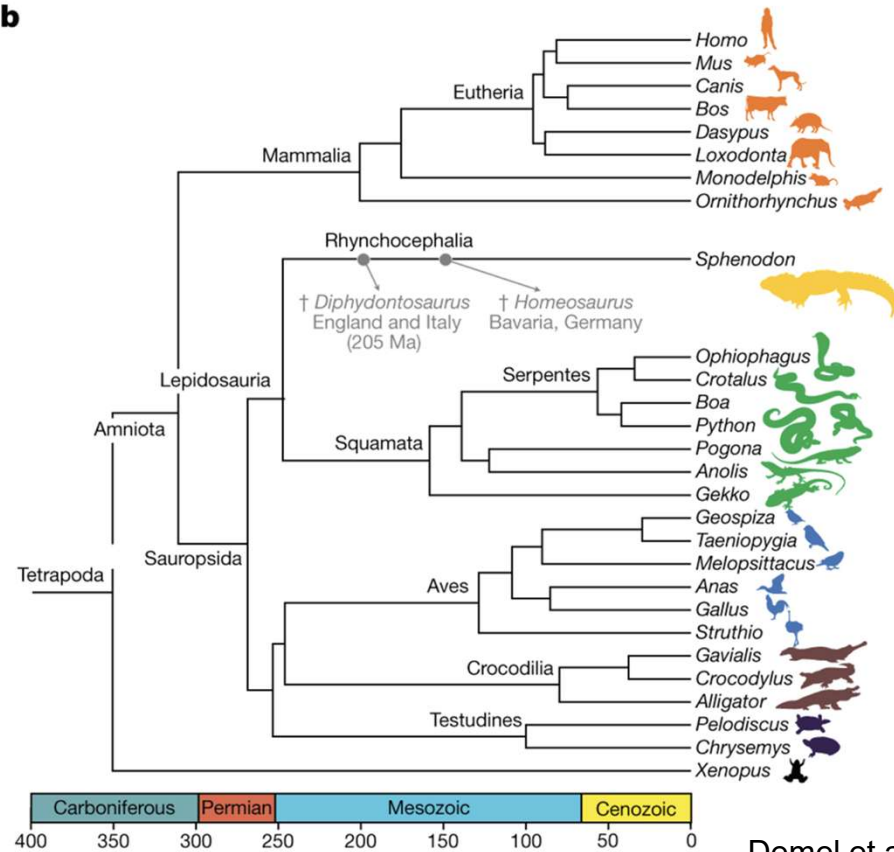
(B,C,D,E,F,G) es un grupo
PARAFILÉTICO (incluye un ancestro y
muchos, pero no todos, sus descendientes)



(A, H) es un grupo **POLIFILÉTICO**
(grupo discontinuo del punto de vista
filogenético)

Filogenia de tetrápodos

b



Aplicar los conceptos de monofilia, parafilia, y polifilia:

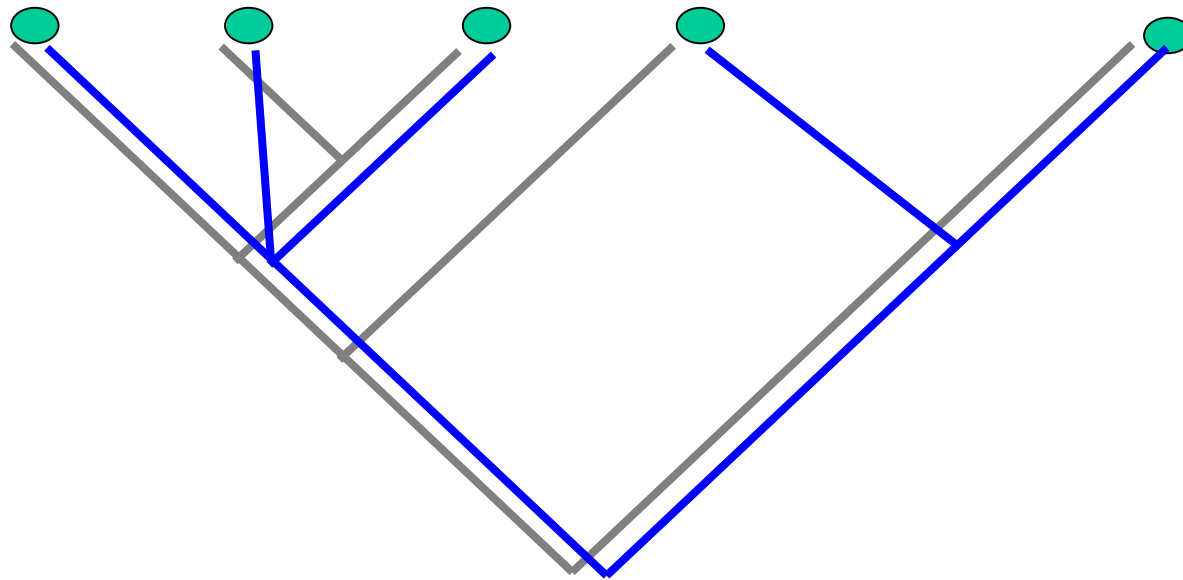
- Mamíferos
- Aves
- Reptiles
- Amniotas
- Homeotermos

Demel et al. 2020. Nature 584:403–409

Filogenias

verdadera historia evolutiva

una hipótesis sobre dicha historia



Filogenias

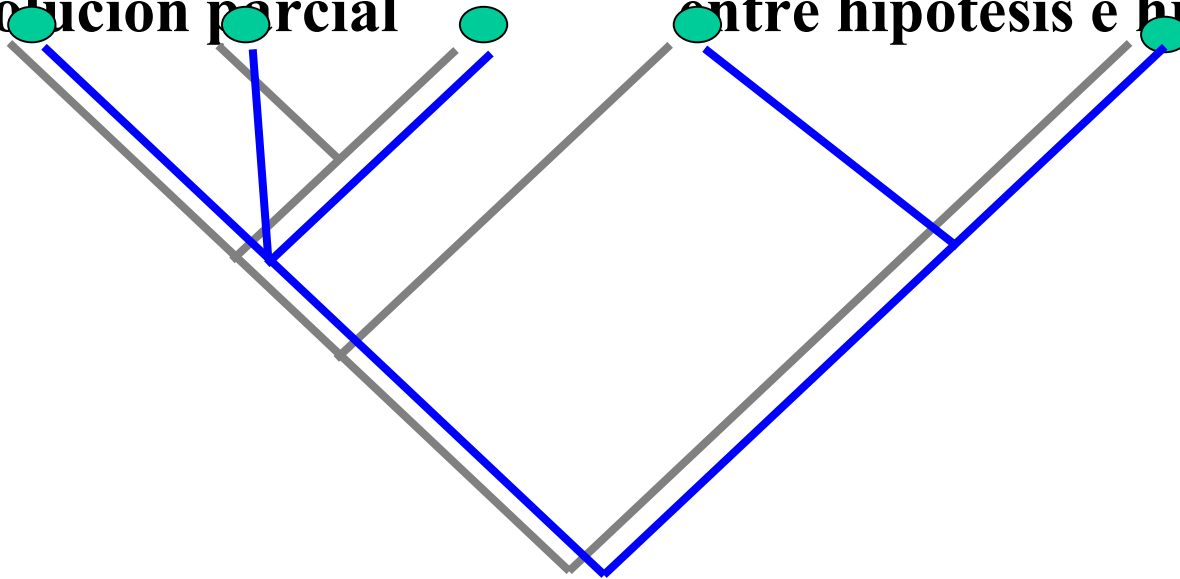
politomía:

topológica

resolución parcial

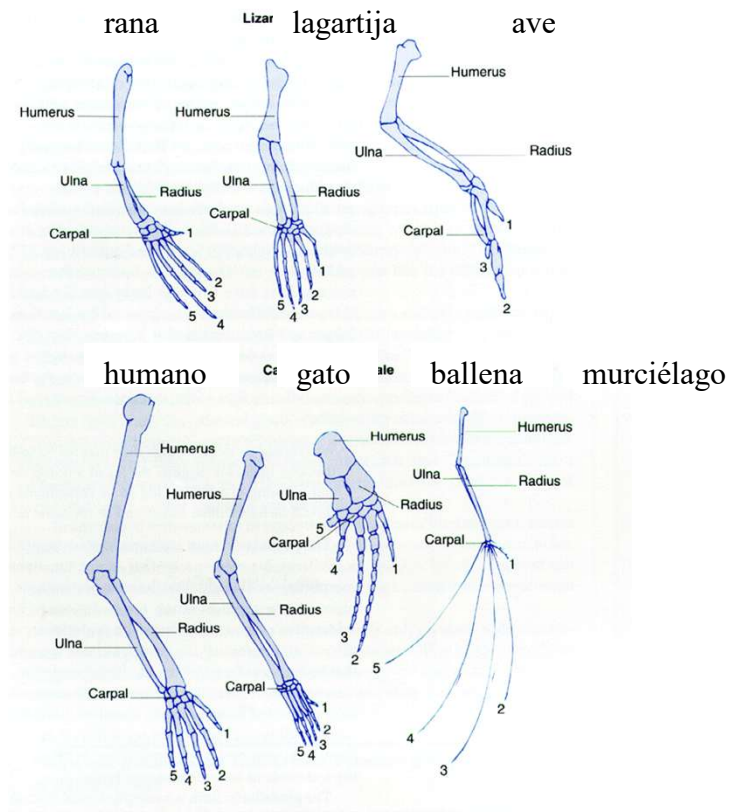
diferencia

entre hipótesis e historia



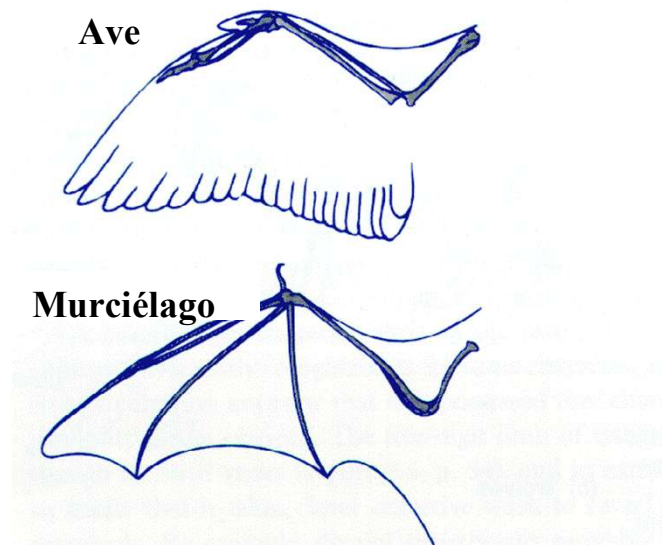
- homología : implica legado de ancestro común

Extremidades anteriores de varios tetrápodos.



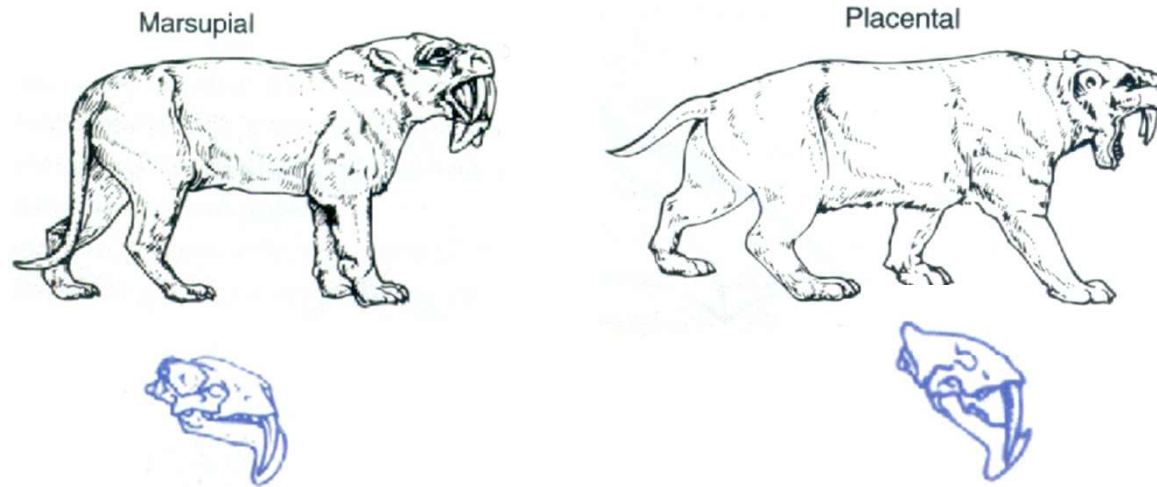
Se consideran estructuras homólogas aunque su forma varíe (carácter homólogo con varios estados).

- analogía (homoplasia): implica orígenes independientes
- alas de murciélagos y aves



Los miembros anteriores son homólogos, pero el estado “ala” es análogo, ya que los dos grupos adquirieron ese estado de manera independiente.

La analogía puede llegar a ser sorprendente

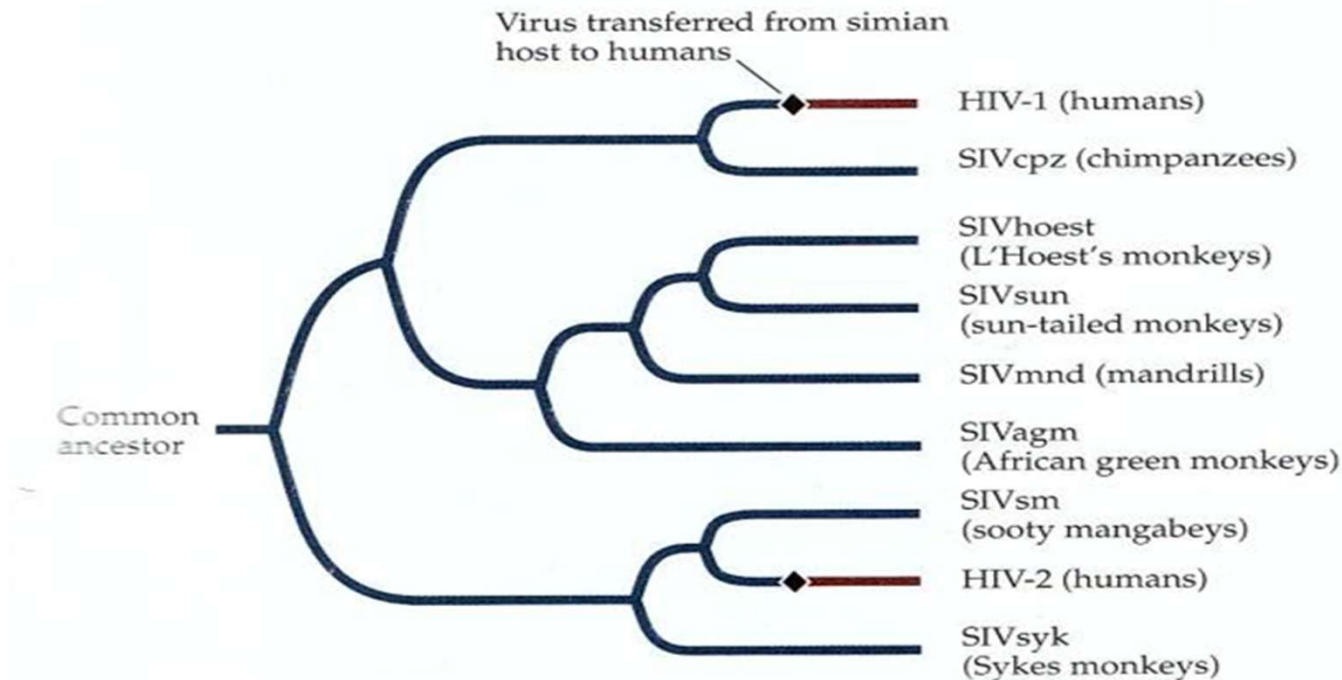


La Selección Natural favorece el mismo tipo de estructura en “tigres dientes de sable” de linajes distintos (marsupiales y mamíferos placentados).

LA ANALOGÍA (HOMOPLASIA): RESULTA DE PARALELISMOS, CONVERGENCIAS, O REVERSIONES

Algunas aplicaciones del análisis filogenético⁽¹⁾

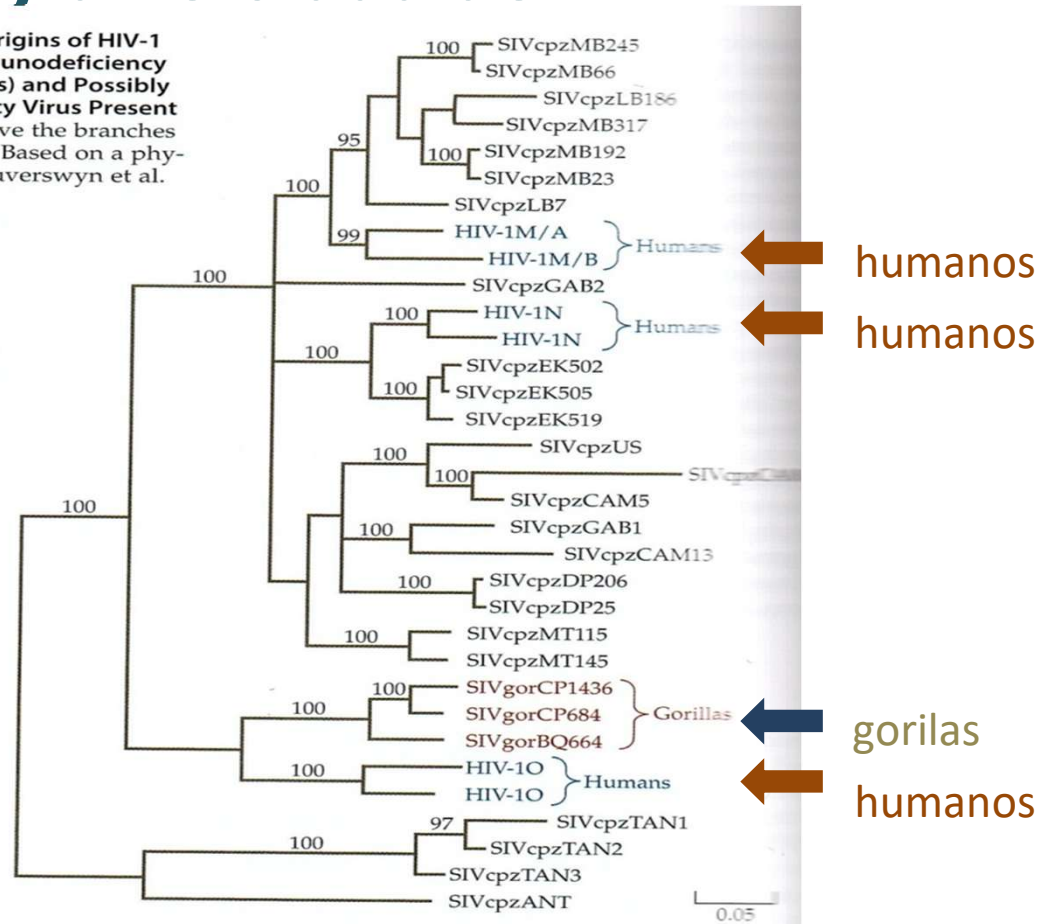
Origen independiente de HIV-1 y HIV-2



(1) Ejemplos de Hillis, DM, cap 16 en Futuyma et al (eds), 2010. Evolution since Darwin—the first 150 years. Sinauer Assoc., Sunderland, Mass.

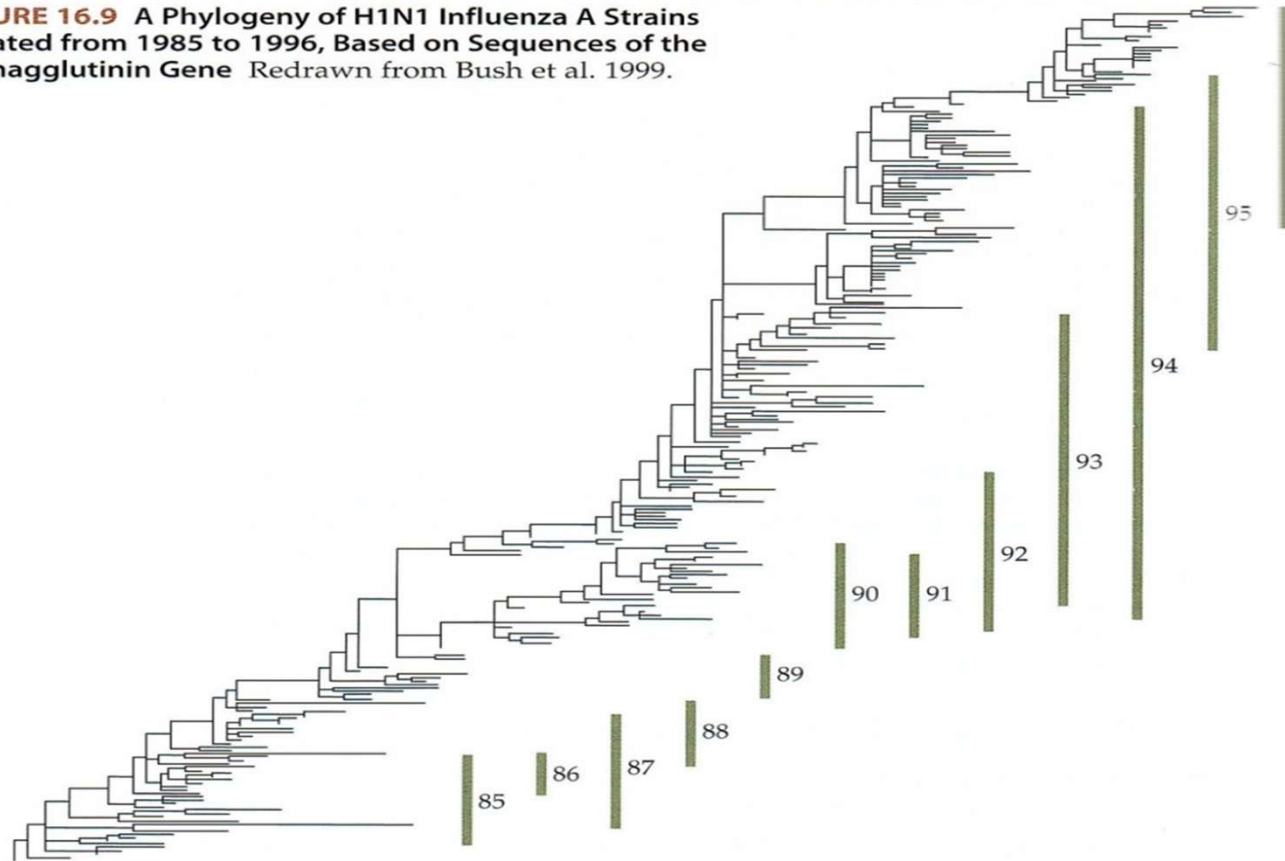
Origen y diversidad de HIV-1

FIGURE 16.5 The Multiple Origins of HIV-1 Strains from SIVcpz (the Immunodeficiency Virus Present in Chimpanzees) and Possibly SIVgor (the Immunodeficiency Virus Present in Gorillas) The numbers above the branches are bootstrap support values. Based on a phylogenetic analysis by Van Heuverswyn et al. 2006.



Variación interanual de influenza H1N1

FIGURE 16.9 A Phylogeny of H1N1 Influenza A Strains Isolated from 1985 to 1996, Based on Sequences of the Hemagglutinin Gene Redrawn from Bush et al. 1999.



Evolución de hemaglutinina (influenza)

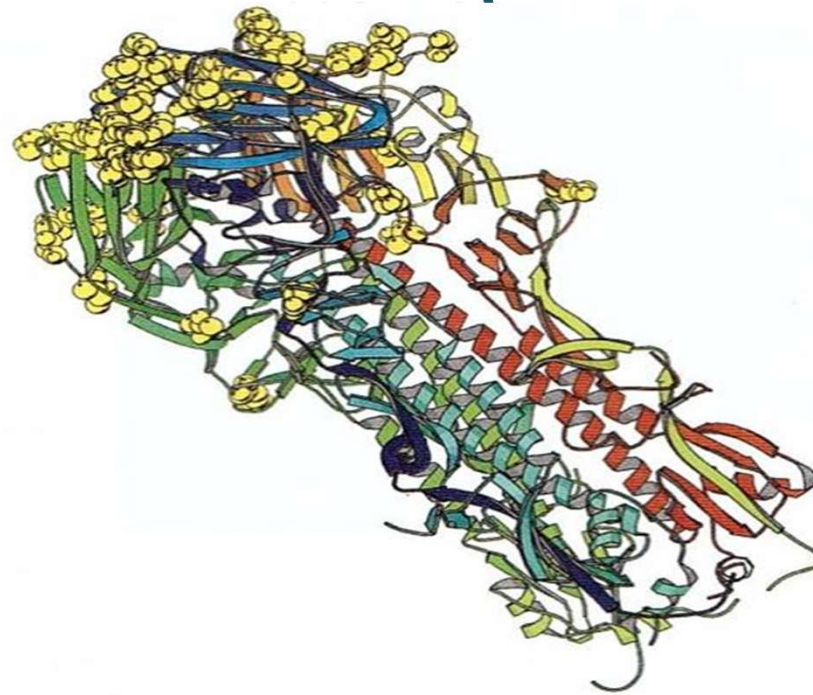
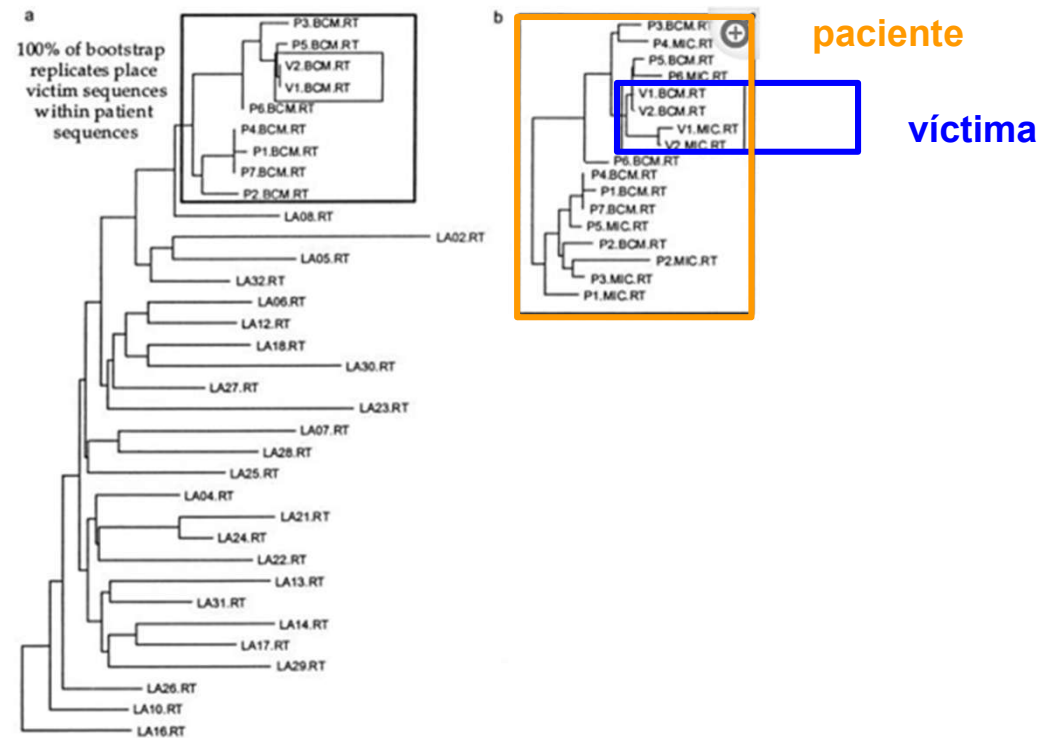


FIGURE 16.10 Model of the Hemagglutinin Protein, Showing Amino Acid Sites that Are Under Positive Selection for Change (Yellow Spheres) From Hillis 1999a.

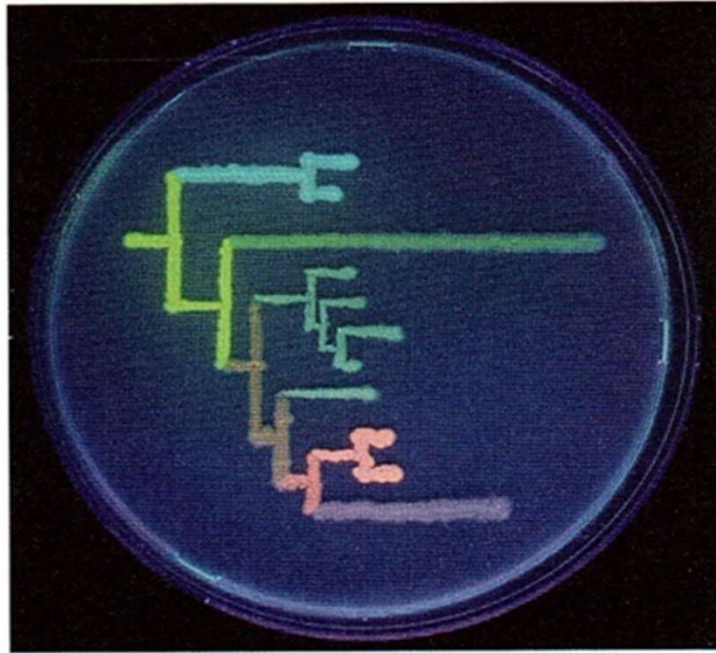
Transferencia de HIV-1 en casos criminales



Metzker et al 2002. Molecular evidence of HIV-1 transmission in a criminal case. doi:
10.1073/pnas.222522599

Algunas aplicaciones del análisis filogenético

Reconstrucción de la evolución gradual de proteínas fluorescentes en corales



1. Análisis filogenético.
1. Reconstrucción de secuencias de proteínas ancestrales.
1. Síntesis de genes ancestrales y expresión.
1. Medida de fluorescencia.

Comentarios finales

- El análisis filogenético es esencial para estudiar la evolución.
- Nuestras filogenias son aproximaciones a (o hipótesis sobre) a “la” filogenia (que expresa las relaciones evolutivas entre las entidades biológicas).
- El análisis filogenético ofrece un marco de referencia para establecer
 - Parentesco
 - Cambios genéticos, fenotípicos, geográficos, de ambientes.
- Encuentra diversas aplicaciones en ciencia, tecnología, y en otros aspectos de la vida social.